

1^{er} Encuentro Regional de Probabilidad y Estadística Matemática

PROGRAMA

JUEVES 30 DE SETIEMBRE

9:45 – 12:30

Sesión Inaugural de Conferencias

Organizador: Ricardo Fraiman (Universidad de San Andrés)

9:45 – 10:30 *De los campos vectoriales aleatorios a la complejidad algorítmica: algunos ejemplos de aplicación de la fórmula de Rice*
Mario Wschebor (Universidad de la República, Uruguay)

10:45 - 11:30 *Mining massive text data and developing tracking statistics*
Regina Liu (Rutgers University)

11:45 - 12:30 *Large deviations in queuing systems*
Eugene Pechersky (Institute for Information Transmission Problems)

12:30 – 14:30 ALMUERZO

14:30 – 18:00

Sesión: Robustez y modelos semiparamétricos.

Organizador: Victor Yohai (Universidad de Buenos Aires)

14:30 – 15:25 *Introducción a la robustez y regresión robusta con datos censurados.*
Victor Yohai (Universidad de Buenos Aires) (con Matías Salibian Barrera)

15:25 – 15:50 *Componentes principales robustas*
Ricardo Maronna (Universidad de La Plata)

15.50-16-20 INTERVALO

16:20 – 16:45 *Tests robustos en modelos de regresión parcialmente lineales*
Ana Bianco - Graciela Boente (Universidad de Buenos Aires) (con Elena Martínez)

16:45 – 17:10 *Métodos de estimación de una función regresora con saltos eventuales, aplicación a datos de crecimiento*
Diana Kelmansky (Universidad de Buenos Aires)

17:10 – 17:35 *Estimadores robustos para el modelo lineal multivariado basados en escalas τ*
Elena Martínez (Universidad de Buenos Aires) (con M. Garcia Ben y V.J. Yohai)

1^{er} Encuentro Regional de Probabilidad y Estadística Matemática

17:35 – 18:00 *Estimación robusta para el modelo de regresión con errores asimétricos*
Marta García Ben (Universidad de Buenos Aires)

18:00 – 18:30 INTERVALO

18:30 – 20:30

Sesión: Matemática del Genoma

Organizador: Alejandro Maass (Universidad de Chile)

18:30 – 19:30 *An introduction to some mathematical approaches of genomics*
Gilles Didier (Universidad de Chile & Institut de Mathématiques de Luminy)

19:30 – 20:00 *Discusión, simulación y preguntas*
Gilles Didier - Alejandro Maass (Universidad de Chile)

20:00 – 20:30 *Estimación de la curva de supervivencia con distintos tipos de censura informativa*
Andrea Rotnitzky (Harvard School of Public Health, visiting prof. at Universidad Di Tella)

21:30 CENA DE CAMARADERIA

1^{er} Encuentro Regional de Probabilidad y Estadística Matemática

VIERNES 1 DE OCTUBRE

9:00 A 12:30

Sesión: Ecuaciones estocásticas y aplicaciones en finanzas

Organizadora: Nora Muler (Universidad Torcuato Di Tella)

09:00 – 10:00 *Modelos Estocasticos en Finanzas*

Ernesto Mordecki (Universidad de la República, Uruguay)

10:00 – 10:25 *The Influence of Heterogeneity of Individual Preferences of Consumers on the Formation of Price-Demand Relation*

Vladimir Belitzky (Universidade de Sao Paulo)

10:25 – 10:50 *Aproximación numérica de ecuaciones estocásticas con soluciones que explotan*

Pablo Groisman (Universidad de Buenos Aires)

10:50 – 11:10 INTERVALO

11:10 – 11:30 *Optimización de Dividendos en un modelo con saltos. Aplicación a una compañía de seguros*

Pablo Azcue (Universidad Torcuato Di Tella)

11:30 – 11:50 *Métodos topológicos para ecuaciones del tipo Black-Scholes*

Pablo Amster (Universidad de Buenos Aires)

11:50 – 12:10 *Sobre un problema inverso de Matematica Financiera*

Pablo De Napoli (Universidad de Buenos Aires)

12:10 – 12:30 *Discusión de problemas abiertos*

12:30 – 14:00 ALMUERZO

14:00 – 17:30

Sesión: Sistemas de Partículas

Organizador: Pablo Ferrari (Universidade de Sao Paulo)

14:00 – 14:25 *Aging and scaling limits*

Luiz Renato Fontes (Universidade de Sao Paulo)

1^{er} Encuentro Regional de Probabilidad y Estadística Matemática

14:25 – 14:50 *Agrupamento de dados com o modelo de Potts Superparamagnético*
Alejandro Frery (Universidade de Alagoas)

14:50 – 15:15 *Macroscopic current fluctuations in stochastic lattice gases*
Claudio Landim (IMPA)

15:15 – 15:40 *On an epidemic model over finite and infinite graphs*
Fabio Machado (Universidade de Sao Paulo)

15:40 – 16:10:INTERVALO

16:10 – 16:35 *The time constant and critical probabilities in percolation models on Voronoi tilings*
Leandro Pimentel (Universidade de Sao Paulo)

16:35 – 17:00 *Dependent Bernoulli Percolation on \mathbb{Z}^2*
Bernardo Lima (Universidade de Minas Geraes)

17:00 – 17:25 *Truncation in Long Range Systems*
Sacha Friedli (IMPA)

17:25– 18:30 INTERVALO

18:30 – 19:30 Sesión de posters.
--

1^{er} Encuentro Regional de Probabilidad y Estadística Matemática

SABADO 2 DE OCTUBRE

9:00 - 12:30

Sesión: **Modelización estocástica en lingüística**

Organizador: Antonio Galves (Universidade de Sao Paulo)

9:00 – 10:00 *Retrieving rhythmic features in linguistic random sequences*
Antonio Galves (Universidade de Sao Paulo)

10:00 – 10:30 *Finding correlates of rhythm in written texts using variable length Markov chains*
Nancy Lopes Garcia (Universidade de Campinas)

10:30 – 11:00 *Modeling the speech sonority with tied quantized chains*
Jesus Garcia (Universidade de Campinas)

11:00 – 11:30 INTERVALO

11:30 – 12:00 *Markov approximations and the bootstrap for chains of infinite order, with an application to sonority chains*
Denise Duarte (Universidade Federal de Goiás)

12:00 – 12:30 *Identifying rhythmic classes through the sonority of languages: a Kolmogorov-Smirnov approach*
Ricardo Fraiman (Universidad de San Andrés)

12:30 – 14:30 ALMUERZO

14:30 A 18:00

Sesión: **Modelización estocástica en biología y genética**

Organizador: Servet Martinez (Universidad de Chile)

14:30 – 15:30 *Un modelo Markoviano y un criterio de selección simple derivado de anotación en procariontes*
Servet Martinez (Universidad de Chile)

15:30 – 15:55 *Integration of Gene Regulation Networks Models*
Eduardo Jordao Neves (Universidade de Sao Paulo)

15:55 – 16:20 *Aproximación de Poisson y aplicación a secuencias biológicas*
Miguel Abadi (Universidade de Sao Paulo)

1^{er} Encuentro Regional de Probabilidad y Estadística Matemática

16:20 – 16:40 INTERVALO

16:40 – 17:05 *Limit theorems for sequences of random trees*
Pablo Ferrari (Universidade de Sao Paulo)

17:05 – 17:30 *Re-written of genome sequences*
Alejandro Maass (Universidad de Chile)

17:30 – 17:55 *Clustering genes based on P-values*
Regina Liu (Rutgers University)